

Al ser una enfermedad autosómica recesiva, solo puede manifestarse en los homocigotos recesivos (aa), por lo tanto:

Incidencia= $q^2=8/1000=0,008 \rightarrow q=\sqrt{0,008} = 0,0894 \rightarrow p=1-q=0,9106$   
p representa el alelo dominante A y tiene el valor 0,9106  
q representa el alelo recesivo a y tiene el valor 0,0894

**Frecuencias de cada genotipo (Hardy-Weinberg);**

Genotipo AA (homocigoto sano) =  $p^2 = 0,8292$

Genotipo Aa (heterocigoto portador sano) =  $2pq=2*0,9106*0,0894=0,1628$

Genotipo aa (homocigoto enfermo) =  $q^2=0,008$

**Total(comprobación).....0,8292+0,1628+0,008=1**

**Frecuencias fenotípicas esperadas;**

Fenotipo sano (A dominante) = AA+Aa =  $0,8292+0,1628=0,9920$

Fenotipo enfermo= aa=0,0080

**Resumen**

Frecuencias alelos p=0,9106 q=0,0894

Frecuencias genotípicas AA=0,8292; Aa=0,1628; aa=0,0080

Frecuencias fenotípicas **Sanos=0,9920; enfermos=0,0080**